A kutya circovírus (CanineCV vagy DogCV) előfordulása Magyarországon és az Európai Unióban

Magyarország

A kutya circovírus magyarországi előfordulására vonatkozó specifikus adatok korlátozottak. A legrelevánsabb információk egy 2016-ban, házi kutyákon végzett vizsgálatból származnak. Ebben a kutatásban a vírust a **gyomor-bélrendszeri tüneteket mutató kutyák 16%-ában**, míg az **egészséges kutyák 8%-ában** mutatták ki. A különbség statisztikailag szignifikáns volt, ami a vírus és a gyomor-bélrendszeri megbetegedések közötti lehetséges összefüggésre utal, bár a fertőzés szubklinikai formában is előfordulhat. A vizsgálat magyarországi **menhelyi kutyákból származó mintákat** elemzett, és rámutatott a kimutatott **vírustörzsek genetikai változatosságára**.

Magyarországra vonatkozóan nem állnak rendelkezésre újabb, átfogó prevalenciaadatok a 2020 utáni időszakból. Egy **2025-ös vizsgálat**, amely **vadon élő ragadozók** – például rókák, sakálok és farkasok – vírusmonitorozásával foglalkozott, **nem számolt be CanineCV kimutatásáról**, hanem más vírusokra, például kutya coronavírusra és picodistrovírusra összpontosított. Lehetséges, hogy a CanineCV-t is vizsgálták, de ezekben a vadon élő populációkban **nem bizonyult széles körben elterjedtnek**.

Európai Unió (EU)

A CanineCV-t **1995 óta** több EU-tagállamban is kimutatták. Az előfordulási gyakoriság a vizsgált populációtól – házi kutyák vagy vadon élő ragadozók –, az egészségi állapottól és az alkalmazott vizsgálati módszerektől függően változik.
Általánosságban a **házi kutyák körében mért prevalencia 3,6% és 28% között** mozog, és gyakran magasabb a tüneteket mutató állatokban – például hasmenéses vagy légzőszervi tüneteket mutató kutyákban –, mint az egészséges egyedekben.
A vírus gyakrabban fordul elő vadon élő kutyafélékben, ahol az előfordulási arány magasabb lehet, ami arra utal, hogy ezek a populációk **rezervoárként** szolgálhatnak.

Fontosabb vizsgálatok és adatok EU-tagállamokból

Ország	Vizsgált populáció	Prevalencia	Részletek	Forrás éve
Németország	Hasmenéses házi kutyák	20,1%	Magasabb arány a tüneteket mutató kutyákban; PCR-rel mutatták ki bélsármintákból.	2017
Németország	Egészséges házi kutyák	7,3%	Gyakori szubklinikai jelenlét; jelentős klinikai tünetek nélkül.	2017
Magyarország	Gyomor-bélrendszeri tüneteket mutató házi kutyák	16%	Szignifikáns összefüggés a tünetekkel; egy átfogó enterális vírusvizsgálat része.	2016
Magyarország	Egészséges házi kutyák	8%	Tünetmentes, endémiás jelenlétre utal.	2016
Olaszország	Szürke farkasok (vadon élő)	47,8%	Magas előfordulás minden korcsoportban: kölykök 50%, fiatal felnőttek 42,9%, felnőttek 50%; az 1-es és 4-es genotípust mutatták ki.	2025 (áttekintés)
Olaszország	Vörös rókák (vadon élő)	0–4,3%	Alacsony kimutatási arány; régiótól és mintatípustól függően változik.	2010-es–2020-as évek
Egyesült Királyság és Norvégia	Sarki-/vörös rókák (vadon élő)	16,9–51,6%	Az 5-ös genotípus dominál; az északi régiókban magasabb előfordulással.	2020-as évek
Spanyolország	Ibériai hiúz (vadon élő)	57,8%	Egy rokon, új circovírust (ILCV-1) mutattak ki lépmintákból, amely elkülönül a CanineCV-től.	2024

Általános tendenciák az EU-ban

- A **CanineCV endémiásan jelen van**, de házi kutyákban gyakran **szubklinikai** formában fordul elő.
- A **vadon élő populációkban magasabb prevalencia** figyelhető meg; rókák, farkasok és borzok esetében 18–50%-os arányokról számoltak be.
- Az európai törzsek között gyakoriak az **1-es, 4-es és 5-ös genotípusok**, amelyek szoros genetikai rokonságot mutatnak.
- Gyakoriak az **együttes fertőzések** más kórokozókkal, például kutya parvovírussal, amelyek súlyosbíthatják a klinikai tüneteket.
- Jelentős **adatbeli hiányosságok** állnak fenn, mivel számos vizsgálat elsősorban tüneteket mutató vagy vadon élő állatokra összpontosít, nem pedig széles körű populációs felmérésekre.

Ismerethiányok

Jelenleg **nem áll rendelkezésre átfogó, az egész Európai Unióra kiterjedő epidemiológiai felmérés**. A rendelkezésre álló adatok többsége **Németországból, Olaszországból, Magyarországról és az északi országokból** származik.

A vadon élő ragadozók valószínűleg szerepet játszhatnak a vírus **házi kutyákra történő átvitelében**, különösen vidéki területeken.